

基于分子标记的野生棉遗传关系研究

AMUDHA J, Balasubramani G

(Biotechnology Section, Central Institute for Cotton Research, Nagar, Nagpur
440010, India)

摘要:利用 RAPD 技术研究了野生棉种间遗传关系。采用 45 条随机引物获得 758 个条带,根据 UPGMA 聚类分析将 16 个野生棉种分为 5 组。第 1 组包括 B 组染色体的 4 个棉种,其中异形棉(*G. anomalum*)与三叶棉(*G. triphyllum*)相似系数高达 0.96。第 2 组包括瑟伯氏棉(*G. thurberi*)等 7 种,长萼棉(*G. longicalyx*)、比克氏棉(*G. bickii*)分别单独构成第 4,5 组,斯特提棉(*G. sturtianum*)、澳洲棉(*G. australe*)和细毛棉(*G. pilosum*)组成第 3 组。

关键词:棉属;分类;分子标记;UPGMA

中图分类号:S562.023 **文献标识码:**A

文章编号:1002-7807(2004)06-0360-08